

中国医药生物技术协会组织生物样本库分会生物资源共享平台

样本共享字段数据集说明

从平台使用者的角度出发，要找到符合需求的样本，首先得满足统一样本共享字段描述，确保共享样本的质量，明确样本量多少，是否足够后续科研使用等。而从平台管理者出发，需要考虑样本信息的精炼及隐私性，如何更好进行统一管理。基于以上几点，平台针对样本共享字段数据进行了集中整理及标准化描述，具体样本共享字段数据集模板要求如下：

样本共享字段

原始管号：	样本在原来样本库中的唯一编号
样本 ID：	样本在平台中的唯一编号，平台自动生成用于唯一标识一个样本
样本名称：	通过精炼的语句，以文本的形式表述一批样本以简单区别，如：“肝癌术前”
所属样本库：	样本相关的不同地区、级别的医院或样本库等
样本来源：	样本相关的来源机构或部门等
采集时间：	样本的实际采集时间，默认时间越近则样本越新鲜
接收时间：	样本的实际接收时间，默认时间越短则样本越新鲜
取材器官：	样本采集时候对应的取材器官，如“肝”，“肺”等
样本量：	样本采集的样本具体体积。
入库时间：	样本的实际入库时间
样本类型：	样本对应的样本类型，一般是血液、组织、尿液、DNA、RNA 等
分装管数：	针对样本的具体分装管数
知情同意：	样本是否包含伦理或知情文件，一般标识是或否
样本质量：	样本质控相关的信息，类型 DNA、RNA 浓度、纯度、细胞数之类的质控结果描述，反映样本保存一定时间后的质量情况。
Sprec 编码：	样本前处理质控记录，可记录样本处理过程，间接反映样本质量
样本源 ID：	样本相关的患者唯一编号，便于后期合作获取更多患者相关信息
姓名：	患者真实姓名
年龄：	患者的当前实际年龄

性别：患者的性别，一般是男或女

所属民族：患者所属的民族

所属籍贯：患者所在的籍贯

疾病：对不同疾病的描述，一般对应 ICD10